

# **Curriculum vitae**

Francesco Cantatore

## **Dati personali:**

Nome: Francesco Cantatore

Data di nascita:

Nazionalità:

Indirizzo:

Numero di telefono:

Email:

## **Istruzione e formazione**

### **Laurea magistrale:**

**2017-2019**

Università di Trieste

Genomica Funzionale (LM-6)

Tesi di laurea: "Generazione di mutanti e analisi dell'E3 ubiquitina ligasi TRIM32":

Questo progetto ha avuto l'obiettivo di generare differenti mutanti di TRIM32 in domini specifici della proteina, attraverso mutagenesi sito diretta, per l'analisi della loro attività e la localizzazione cellulare nella linea cellulare C2C12.

Durata tirocinio: un anno

### **Laurea triennale:**

**2013-2016**

Università di Bari "A.Moro"

Biotechnologie industriali per l'innovazione di processi e prodotti(L-2)

Tesi di laurea: "Uso della MAS (marker assisted selection) per ottenere nuove varietà di uva apirena":

Il progetto ha avuto lo scopo di trovare, tra diversi campioni di uva, quelle che presentavano il marker per l'uva apirena. Le varietà di uva apirena sono state analizzate usando la tecnica della MAS per distinguere tra le diverse varietà.

Durata tirocinio: un mese

### **Diploma Liceo:**

**2008-2013**

Liceo Scientifico "O.Tedone" di Ruvo di Puglia

Diploma scientifico

## Esperienza lavorativa/Tirocinio e abilità

### Aprile 2020

Tutor in biologia/chimica presso IB Tutors

### Aprile-Giugno 2019/ Ottobre-Novembre 2019

Ripetizioni di Biologia e matematica per alunni scuola media

### Novembre 2019

Collaboratore nella raccolta di olive per un'impresa privata

### 2018-2019

Tirocinio in genetica e genetica molecolare presso l'Università di Trieste:

Durante questo tirocinio ho arricchito la mia esperienza di lavoro in laboratorio, in particolare usando differenti tecniche: immunofluorescenza, Western Blot, PCR, mutagenesi sito diretta, colture cellulari, sub-clonaggio, microscopia, purificazione DNA, trasfezione, trasformazione *E. coli*, bioinformatic tools (multi-alignment of DNA samples, NEBcutter 2.0 tool, protein translation, proteins alignment), NGS (sample preparation and data analysis), preparazione soluzioni, good laboratory practicing like (GLP-like) e ho imparato ad analizzare i dati ottenuti per la mia tesi.

### 2016

Tirocinio in genetica molecolare e marker molecolari presso l'Università di Bari:

Durante questa esperienza di laboratorio ho appreso come muovere i primi passi in laboratorio e come maneggiare le diverse tecniche studiate: estrazione del DNA, quantificazione al Nanodrop, PCR, MAS (marker assisted selection) ed elettroforesi capillare.

## Altre abilità e informazioni

### Sezione Lingue

	Com prensione		Scritto	Orale	
	Ascolto	Lettura		Produzione Orale	Interazione
Italiano	C2	C2	C2	C2	C2
Inglese	C1	C1	B2	C1	C1
Francese	B2	B2	B1	B1	B2
Spagnolo	B2	B1	B1	B1	B1

## **Sezione informatica**

Photoshop, programmi Microsoft Office (Excel, Word, Publisher, Power Point), Open Office, Adobe Acrobat, Sistema operativo Windows, Linux, Python (base), iOS, NEB cutter 2.0, Software analisi multi-allineamento, software analisi proteine tradotte, software analisi NGS.

## **Altro**

Partecipazione e certificazione corso sulla sicurezza in laboratorio (2016)

## **Pubblicazioni**

**2019** "Analysis of the Zn-Binding domains of TRIM32, the E3 Ubiquitin Ligase Mutated in Limb Girdle Muscular Dystrophy 2H" E. Lazzari, M. El-Halawany, M. De March, F. Valentino, F. Cantatore, C. Migliore, S. Onesti and G. Meroni, 2019 (Cells)

Referenti: Prof.ssa Germana Meroni ([gmeroni@units.it](mailto:gmeroni@units.it))

Dott.ssa Elisa Lazzari ([elazzari@units.it](mailto:elazzari@units.it))

Dott.ssa C. Montemurro ([cinzia.montemurro@uniba.it](mailto:cinzia.montemurro@uniba.it))

Autorizzo il trattamento dei dati, ai sensi del D. Lgs. 196/2003 e del Regolamento EU 2016/679